

Behandlungsmuster bei Patienten mit Lungenkrebs: Real-World-Daten aus dem NOWEL-Netzwerk



60 Kliniken und Praxen
i.v. Vertrag für Liquid biopsy

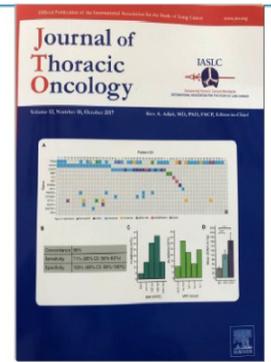
NEOliquid

Analyse aller relevanten Genveränderungen an Blutproben

ALK	CDKN2A	FGFR3	MDM2	RB1
ARAF	CDKN2B	HRAS	MET	RET
ATM	CTNNB1	IDH1	MTOR	ROS1
ATR	DDR2	IDH2	NFE2L2	STK11
BRAF	EGFR	KEAP1	NRAS	TP53
BRCA1	ERBB2	KIT	PDGFRA	TSC1
BRCA2	FGFR1	KRAS	PIK3CA	TSC2
CDK4	FGFR2	MAP2K1	PTEN	

- NEOliquid analysiert zellfreie zirkulierende DNA. Für fett gedruckte Gene werden zusätzlich ausgewählte intronische Regionen zum Nachweis von Genfusionen analysiert.
- Das Panel deckt neben den bei NSCLC zugelassenen zielgerichteten Therapien zur Erweiterung der Therapieoptionen auch prädiktive Marker für in anderen Indikationen zugelassene oder in klinischen Studien verfügbare Therapien ab.

Concordance Study



Erstliniendaten

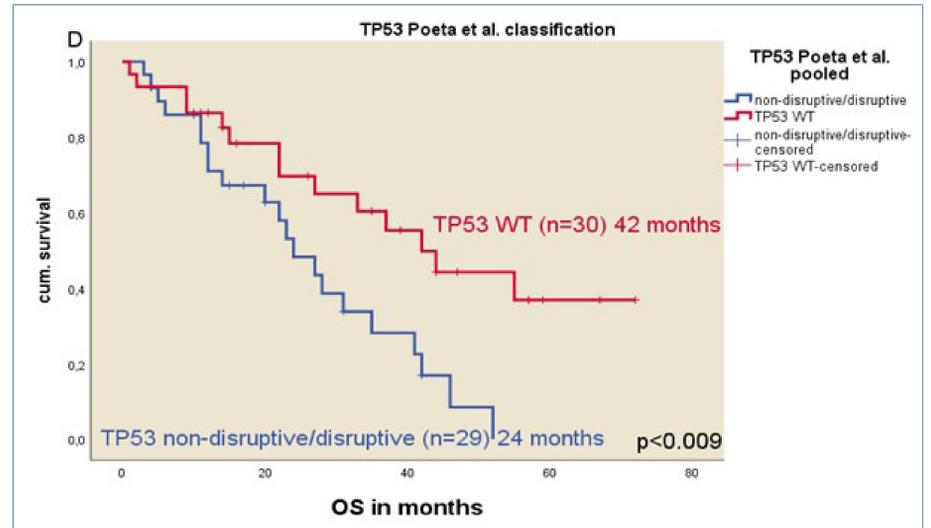
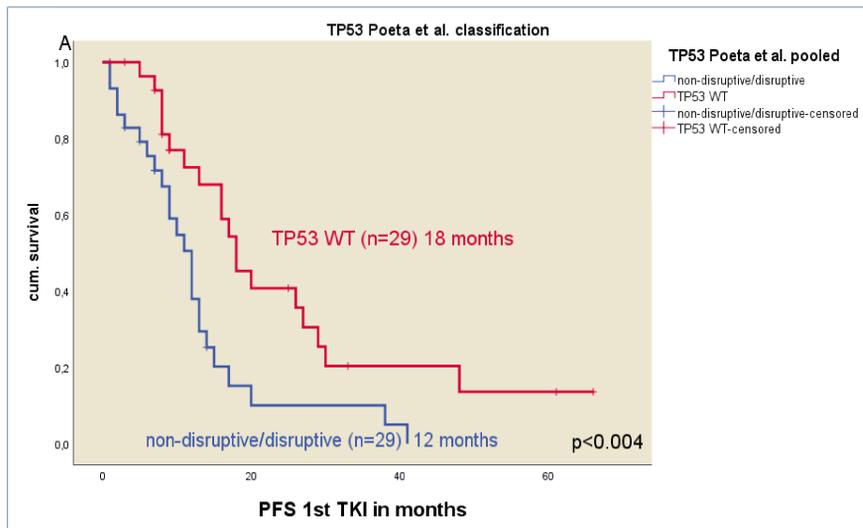
Hintergrund

- TP53-Ko-Mutationen häufig bei EGFR mt+ NSCLC
- Starker negativer Einfluss auf klinische Endpunkte (PFS und OS)

Studiendesign

- Retrospektive Beobachtungsstudie
- Untersuchung des Einflusses von TP53-Mutationen auf PFS und OS
- 75 EGFRmt+ NSCLC-IV-Patienten auf TP53-Mutationen untersucht
- Homogen mit EGFR-TKI in der Erstlinie behandelt

Ergebnisse



Zweitliniendaten

Hintergrund

- TP53-Ko-Mutationen häufig bei EGFR mt+ NSCLC
- Starker negativer Einfluss auf klinische Endpunkte (PFS und OS)

Studiendesign

- Retrospektive Beobachtungsstudie
- 77 EGFR mt+ NSCLC-IV-Patienten mit T790M-Resistenzmutation
- Behandlung mit TKI der 3. Gen. in 2./weiterer Behandlungslinie

Ergebnisse

